

**EU-Sortenprüfung Biogas (EUB), Sortiment B1 (S 230 und niedriger)
bundesweit
zweijährig, 2017 und 2018**

Sorte	Status	Reife- zahl	GM Ertrag dt/ha	GTM Ertrag dt/ha	GTM Ertrag rel.	TS Gespfl. %	BGA IN kg ⁻¹ oTM	BGA rel.	BGE m ³ N ha ⁻¹ oTM	BGE rel.	Stärke- gehalt %	Rohfett %	Hemicel- lulose %	Lignin %	red. Zucker %	Lager A. w. Blüte (1-9)	Lager v. Reife %	Mängel n. Aufg. (1-9)	Mängel A. w. Bl. (1-9)	Besto- ckung %	Mais- zünsler %	Mais- beulenb. %	Stängel- fäule %	Abreif. Blätter (1-9)	Pflz.- länge cm
Mittel (VR)			533,5	192,0	100	36,3	769	100,0	14181	100,0	30,8	2,7	19,0	1,7	8,0	1,3	5,8	1,9	1,7	50,2	1,6	1,2	27,5	4,3	301
GD5%			16,2	6,2	3,2	0,9	12,4	1,6	560	3,9	1,2	0,1	0,4	0,1	0,6										
HERIT			95,3	73,3	73,3	95,4	97,1	97,1	47,2	47,2															
Mittel (PG)			536,0	195,5	101,8	36,7	772	100,4	14524	102,4	31,5	2,8	18,8	1,6	8,5	1,5	7,4	2,0	4,0	44,7	2,4	0,6	24,2	3,9	299
Carolinio KWS	VR	230	550,9	195,3	101,7	35,6	740	96,3	13911	98,1	30,4	2,6	18,5	1,8	8,9	1,0	5,1	1,9	2,0	43,9	1,1	0,9	12,5	4,3	309
ES Amazing	VR	210	507,3	189,4	98,6	37,7	793	103,1	14448	101,9	31,4	3,1	18,8	1,7	7,3	2,0	7,4	2,0	2,0	52,4	3,2	1,3	70,0	4,4	306
DKC 2972	VR	220	542,1	191,3	99,7	35,6	773	100,6	14185	100,0	30,6	2,5	19,7	1,7	7,8	1,0	4,9	1,8	1,0	54,3	0,5	1,3	0,0	4,1	288
SY Amboss	VG	220	526,4	192,9	100,5	36,6	792	103,0	14739	103,9	31,6	2,8	19,2	1,6	8,4	1,0	10,4	1,8	3,0	43,1	3,2	1,1	2,5	3,7	301
DKC 3560	VG	230	557,1	198,0	103,1	35,6	746	97,1	14246	100,5	30,6	2,7	18,5	1,8	8,3	-	0,7	2,5	-	-	-	0,0	5,0	3,7	295
Keops	2	210	524,5	195,6	101,9	38,0	779	101,3	14586	102,9	32,3	2,9	18,5	1,6	8,7	2,0	11,1	1,8	5,0	46,3	1,6	0,6	65,0	4,4	301
Anzahl Versuche:			22	22	22	22	20	20	20	20	20	20	20	20	20	1	15	8	1	1	1	4	1	10	16

rel. = relativ im Vergleich zum Mittelwert der Verrechnungssorten (VR absolut) = 100; HERIT = prozentualer Anteil der genetischen (Sorten-) Leistung zur Ausprägung des Merkmals

(VR) = Verrechnungssorte; Mittel (PG) = Mittelwert der Prüfglieder ohne (VR)

BGA = Potenzielle Biogasausbeute in IN kg⁻¹ oTM

BGE = Potenzieller Biogasertrag in m³N ha⁻¹

